



بیان و تخلص دو پروتئین نو ترکیب DnaK و Omp31 بروسلا ملی تنسیس و جداسازی اندوتوکسین همراه آنها

امیر قاسمی^۱، محمدحسین سالاری^{۱*}، امیر حسن زرنانی^{۲،۳}، محمود جدی تهرانی^۴

^۱ گروه پاتوبیولوژی، دانشکده بهداشت، دانشگاه علوم پزشکی تهران

^۲ پژوهشکده نانو تکنولوژی، پژوهشگاه فناوری های نوین ابن سینا، جهاد دانشگاهی تهران

^۳ مرکز تحقیقات ایمونولوژی، دانشگاه علوم پزشکی ایران

^۴ پژوهشکده مونوکلونال آنتی بادی، پژوهشگاه فناوری های نوین ابن سینا، جهاد دانشگاهی تهران

(دریافت مقاله: ۹۱/۴/۲۸ - پذیرش مقاله: ۹۱/۵/۲۱)

چکیده

زمینه: امروزه به دلیل مشکلاتی که سوش واکسن بروسلا ملی تنسیس ایجاد می کند، توسعه واکسن ساب یونیتی با استفاده از پروتئین های نو ترکیب مد نظر است. علی رغم به دست آمدن پروتئین های نو ترکیب با بیش تر از ۹۵ درصد خلوص، این پروتئین ها هنوز حاوی میزان زیاد و مشخصی از اندوتوکسین هستند. اندوتوکسین ها، لیپوپلی ساکاریدهایی همراه با غشاء بیرونی باکتری های گرم منفی هستند. سمیت ذاتی این لیپوپلی ساکاریدها دارای یک اثری شاخص بر روی رخدادهای بیوشیمیایی بعضی از سلول ها از جمله سلول های ایمنی هستند و می توانند در آزمایش های انجام شده در شرایط آزمایشگاه تداخل ایجاد کنند.

مواد و روش ها: پلاسمیدهای بیانی حاوی دوژن *omp31* و *dnak* به درون باکتری *E.coli* Bl21(DE3) ترانسفورم شد. بعد پس از انتخاب کلونی مناسب با استفاده از روش وسترن بلات محلولیت و عدم محلولیت هر کدام معین شد. سپس بعد از بیان در ۲۰ درجه به مدت ۲۲ ساعت با استفاده از روش Ni-NTA آگاروز و روش تخلیص با استفاده از اوره، پروتئین های نو ترکیب تخلیص گردید. در هنگام شستشو Ni-NTA agarose هم از روش همراه با دترجنت Triton X-114 و هم بدون آن (استاندارد) استفاده شد.

یافته ها: در این مطالعه میزان ۲۰ و ۸ میلی گرم از پروتئین های نو ترکیب *DnaK* و *Omp31* به ترتیب با استفاده از روش استاندارد به دست آمد در حالی که در روشی که دترجنت استفاده شده بود، این میزان ۲۰ درصد افت داشت. اما در عوض میزان اندوتوکسین در محصول نهایی به میزان بسیار زیادی جدا شده بود و به کمتر از ۰/۰۵ EU میلی گرم در لیتر رسید.

نتیجه گیری: روش به کار رفته در این مطالعه می تواند به عنوان روشی مناسب به منظور بیان، تخلیص و جداسازی از محصول پروتئین نو ترکیب نهایی برای تمام پروتئین های با خصوصیات فیزیولوژیکی مشابه به کار رود.

واژگان کلیدی: پروتئین نو ترکیب، تخلیص، اندوتوکسین، بیان

* تهران، دانشگاه علوم پزشکی تهران، دانشکده بهداشت، گروه پاتوبیولوژی، بخش میکروپزشناسی

مقدمه

برای تولید در مقیاس انبوه پروتئین‌های نو ترکیب راه کارهای مختلفی توسعه یافته است. یکی از این روش‌ها استفاده از برجسب‌های^۱ پتیدی کوچک است که تأثیر چندانی روی پروتئین ندارد. متداول‌ترین برجسب‌های پتیدی مورد استفاده شامل گلوکاتینون S-ترانسفراز (۱)، پروتئین متصل شونده به مالتوز (۲) و هیستیدین می‌باشد (۳).

علی‌رغم به دست آمدن پروتئین‌هایی با ۹۵ درصد خلوص با استفاده از این برجسب‌ها، این پروتئین‌ها هنوز حاوی میزان زیاد و مشخصی از اندوتوکسین هستند. اندوتوکسین‌ها، لیپوپلی‌ساکاریدهایی همراه با غشاء بیرونی باکتری‌های گرم منفی هستند. سمیت ذاتی این لیپوپلی‌ساکاریدها دارای یک اثر شاخص بر روی رخدادهای بیوشیمیایی بعضی از سلول‌ها از جمله سلول‌های ایمنی هستند و می‌توانند در آزمایشات انجام شده در شرایط آزمایشگاه تداخل ایجاد کنند (۴). علاوه بر این، حضور حتی مقدار کمی از اندوتوکسین در محتویات پروتئین مورد استفاده برای درمان و یا واکسیناسیون، می‌تواند التهاب و شوک سپتیک در انسان‌ها و حیوانات آزمایشگاهی می‌شود (۵).

به منظور اجتناب از اثرات جانبی، حذف تقریباً کامل اندوتوکسین از محصول نهایی پروتئین نو ترکیب قبل از استفاده از این پروتئین به منظور تجویز و یا کاربردهای مرتبط با زیست‌شناسی سلول، ضروری به نظر می‌رسد. تاکنون تکنیک‌های متنوعی به منظور حذف اندوتوکسین از محلول‌های پروتئینی همراه با درجه‌های متفاوتی از موفقیت به کار رفته است (۶). اولترافیلتراسیون، اگرچه در حذف اندوتوکسین از آب

مؤثر است، اما روشی غیرمؤثر برای پروتئین‌ها است. زیرا فشار فیزیکی موجود در این روش می‌تواند باعث آسیب به پروتئین‌ها شود (۷). مبادله کننده‌های آنیونی^۲ که از مزایای حضور بار منفی بر روی اندوتوکسین بهره می‌برند، به طور گسترده‌ای به منظور برای جذب اندوتوکسین استفاده شده‌اند (۸).

با این وجود، وقتی که پروتئین‌های اسیدی به منظور برداشتن اندوتوکسین استفاده شده‌اند، این امکان که خود این پروتئین‌ها هم جذب بستر^۳ شده و باعث کاهش شاخصی در محصول نهایی پروتئین شود، وجود دارد. پروتئین‌های دارای شارژ خالص مثبت نیز توانایی تشکیل کمپلکس‌های قوی با اندوتوکسین را دارند، که در نتیجه این احتمال هم وجود خواهد داشت که در هنگام جدا سازی اندوتوکسین‌ها بر مبنای بار منفی آن‌ها، این پروتئین‌ها از اندوتوکسین جدا نشده و در نتیجه در بستر گیر بیفتند و در نتیجه حاصلی جز کاهش محصول دیده نخواهد شد (۸).

جاذب‌های با میل اختصاصی به اندوتوکسین از قبیل هیستیدین، هیستامین، پلی میکسین B و پلی‌ال-لیزین، جذب اندوتوکسین را به داخل بستری که داخل آن قرار گرفته‌اند، از طریق واکنش‌های هیدروفوبیک و الکترواستاتیک تسهیل می‌کنند (۹).

از مضرات استفاده از این جاذب‌ها، نیاز به انجام چندین بار شستشو در هر بار جداسازی و نیز انجام متعدد عمل جداسازی به منظور حذف تقریباً کامل اندوتوکسین می‌باشد که این اعمال باعث کاهش محصول نهایی خواهد شد (۸). جدا سازی بر مبنای تشکیل فاز حاصل از دترجنت‌های non-ionic شبیه Triton-X114 به عنوان روشی بسیار مؤثر برای

² Anionic exchanger³ Matrix¹ Tags

جداسازی اندوتوکسین از محلول‌های پروتئینی توصیف شده است (۱۰). در دمای پایین نقطه تشکیل ابر این دترجنت، Triton-X114 به‌طور مؤثری اندوتوکسین را از پروتئین‌ها جدا می‌کند. در دمای بالاتر از نقطه تشکیل ابر دترجنت، اندوتوکسین در فاز دترجنت به‌دلیل ویژگی‌های هیدروفوبیک خود به‌دام خواهد افتاد. در حالی‌که پروتئین‌های آب دوست در فاز مایع باقی خواهند ماند. با این حال، این روش زمان‌بر است و نیاز به انجام چندین مرتبه مراحل جداسازی اندوتوکسین به‌منظور کاهش اندوتوکسین به‌میزان ۹۸ درصد دارد. علاوه‌بر این، تغییرات دمایی می‌تواند منجر به تغییر حالت پروتئین شود و نیز میزان اندکی از Triton-X114 در محلول‌های پروتئینی باقی بماند (۱۱).

همان‌طور که نشان داده شده است، اندوتوکسین می‌تواند به‌عنوان مولکولی مقاوم به دما و pH در نظر گرفته شود که این ویژگی باعث می‌شود در نظر گرفتن پارامترهایی مانند دما و pH برای جداسازی این مولکول امکان‌پذیر نباشد و به همین دلیل حضور اندوتوکسین همراه پروتئین نوترکیب به‌عنوان یکی از بزرگ‌ترین مشکلات در مسیر تولید پروتئین نوترکیب خالص در نظر گرفته شود (۱۲).

در این مطالعه، روشی بررسی می‌شود که در هنگام تخلیص پروتئین نوترکیب با استفاده از Ni-NTA آگاروز، میزان اندوتوکسین همراه پروتئین نوترکیب نیز به‌میزان زیادی کاهش می‌یابد. به‌منظور نشان دادن کاربردی بودن این روش دو پروتئین نوترکیب بروسلا ملی تنسیس با ویژگی‌های متفاوت مورد آزمایش قرار گرفت.

مواد و روش‌ها

بیان

پلاسمیدهای بیانی pET28a-dnak و

pDEST-omp31 بروسلا ملی تنسیس به‌درون باکتری *E.coli* Bl21(DE3) با استفاده از شوک دمایی در ۴۲ درجه ترانسفورم شد. اخیراً نشان داده‌ایم که این دو پلاسمید توانایی بیان دو پروتئین نوترکیب DnaK و Omp31 بروسلا ملی تنسیس را دارند (۱۲). یک کشت مایع ۱۲ ساعته به‌عنوان استارتر از هرکدام تهیه شد و این کشت به‌درون ۵۰۰ سی‌سی محیط LB حاوی ۵۰ میلی‌گرم در میلی‌لیتر آنتی‌بیوتیک کانامایسین (برای کشت باکتری‌های حاوی پلاسمید pET28a-dnak) ۱۰۰ میلی‌گرم در میلی‌لیتر آنتی‌بیوتیک کانامایسین (برای کشت باکتری‌های حاوی pDEST-omp31) اضافه قبل گردید و بعد از رسیدن به جذب نوری^۴ ۰/۵ ایزوپروپیل-بتا-دی-تیوگالاکتوپیرانوز (IPTG) یک میلی‌مولار اضافه شد. سپس به‌مدت ۲۲ ساعت در دمای ۲۰ درجه با سرعت ۲۵۰۰ rpm هوادهی شدند. از پلت‌گیری ۱۰ سی‌سی از هر کدام از محیط‌های کشت به‌منظور بررسی حلالیت و یا عدم حلالیت پروتئین‌های بیان شده برداشته شد. پلیت حاصل از باکتری‌های رشد کرده با استفاده از سانتریفیوژ با سرعت ۵۰۰۰ rpm به‌مدت ۲۰ دقیقه به‌دست آمد و در ۷۰- درجه برای استفاده در مراحل بعد نگهداری شد (۱۲).

تعیین حلالیت و عدم حلالیت پروتئین‌های نوترکیب:

در این تست از روش وسترن بلات استفاده گردید. این روش دو مزیت دارد. (۱) هم بیان پروتئین را می‌توان اثبات کرد و (۲) هم پی به حلالیت و عدم حلالیت پروتئین‌های بیان شده برد. از ۱۰ سی‌سی محیط به‌دست آمده در مرحله قبل، رسوب به‌دست آمد و این رسوب در یک سی‌سی بافر PBS حل شد. از این سوسپانسیون به‌طور جداگانه ۱، ۳ و ۵ میکرولیتر برداشته، دوباره

⁴ Optical Density

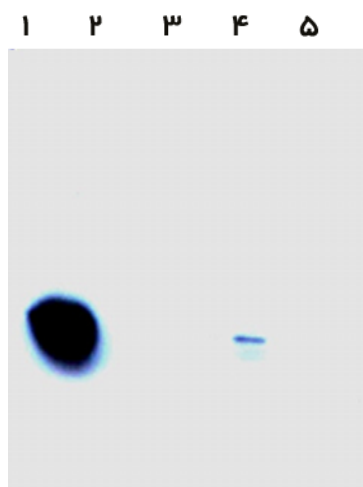
پروتئینی در ۲۸۰OD به دست آمد (۱۳).

یافته‌ها

پروتئین‌های نوترکیب DnaK و Omp31 به ترتیب محلول و غیرمحلول در بافر PBS هستند (شکل ۱). بنابراین برای تخلیص آنها از بافرهای بدون اوره و دارای اوره استفاده شد.



۴۸ کیلودالتون



۲۶ کیلودالتون

شکل (۱) آزمایش تعیین محلولیت و یا عدم حلالت پروتئین‌های نوترکیب DnaK و Omp31 با استفاده از روش وسترن بلات

(۱) ۵ میکرولیتر از لیزات حاصل از باکتری‌های سونیکه شده (۲) ۱ میکرولیتر از لیزات مایع‌رویی حاصل از سانتریفیوژ (۳) ۲ میکرولیتر از لیزات مایع‌رویی حاصل از سانتریفیوژ (۴) ۳ میکرولیتر از لیزات مایع‌رویی حاصل از سانتریفیوژ (۵) ۵ میکرولیتر از لیزات مایع‌رویی حاصل از سانتریفیوژ

سوسپانسیون را با سرعت ۱۳۰۰۰rpm سانتریفیوژ کرده و این بار ۵ میکرولیتر از مایع رویی برداشت شد. به نمونه‌های جمع‌آوری شده بافر نمونه اضافه و در ژل آکریلامید لود شد. تست وسترن بلات با استفاده از آنتی‌بادی مونوکلونال علیه پلی‌هیستیدین کونژوگه HRP شرکت روش^۵ همان‌طور که قبلاً توصیف داده شده است انجام گرفت (۱۴).

تخلیص پروتئین نوترکیب و جداسازی اندوتوکسین از آن

با مشخص شدن محلولیت پروتئین نوترکیب DnaK و عدم محلولیت پروتئین نوترکیب Omp31 با استفاده از دستورالعمل شرکت کیاژن^۶ تخلیص پروتئین‌های نوترکیب صورت گرفت با این تفاوت که به منظور جداسازی اندوتوکسین مرحله‌ای به موازات روش استاندارد تخلیص انجام گرفت که در این روش به بافرهای شستشو میزان ۰/۱ درصد Triton-X114 (Sigma, USA) اضافه گردید. بعد از اتمام شستشو، با بافر حاوی غلظت ۱ مولار ایمیدازول پروتئین‌های نوترکیب از Ni-NTA آگاروز جدا شد. و به منظور جداسازی ایمیدازول هم محلول پروتئینی به مدت یک شب در دمای ۴ درجه در بافر PBS دیالیز شدند.

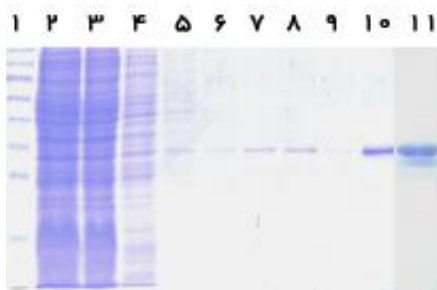
بررسی غلظت پروتئین‌های نوترکیب و اندوتوکسین همراه آنها

غلظت پروتئین‌های به دست آمده در روش برادفورد به منظور تعیین میزان اندوتوکسین، با استفاده از دستورالعمل تهیه شده توسط شرکت لونزا^۷ انجام گرفت. در نهایت میزان باقی‌مانده Triton-X114 در محصول نهایی پروتئین نوترکیب، با خوانش محلول

^۵ Roche, Germany

^۶ Qiagen, Germany

^۷ Lonza, Switzerland



شکل ۳) بررسی مراحل تخلیص پروتئین نوترکین Omp31 با استفاده از ژل ۱۲ درصد SDS-PAGE در آکریلامید در (۱) مارکر وزن مولکولی (۶۷۱ Fermentase SM) (۲) لیزات (۳) فلوئورو (flow through) (۴-۶) فراکشن‌های حاصل از شستشو با بافر حاوی ۲ میلی‌مولار ایمیدازول (۹-۷) فراکشن‌های حاصل از شستشو با بافر حاوی ۴۰ میلی‌مولار ایمیدازول (۱۰) پروتئین حاصل از شستشو با بافر ۱ میلی‌مولار ایمیدازول

بحث

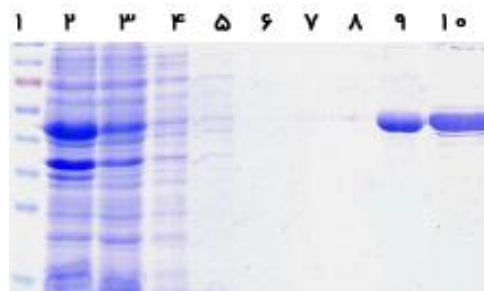
برچسب پلی‌هیستیدین در تولید و تخلیص پروتئین‌های نوترکین به‌وسیله کروماتوگرافی میل ترکیبی فلز تثبیت شده (IMAC) کاربرد زیادی دارد. IMAC بر پایه اتصال بین یک یون فلزی مانند نیکل تثبیت شده روی یک بستری مانند آگاروز و یک اسید آمینه خاص است. هیستیدین قوی‌ترین اتصال را با بسترهایی که روی آن‌ها یون فلزی تثبیت شده است برقرار می‌کند. پس از شستشوی بستر، پروتئین‌های واجد پلی‌هیستیدین با تنظیم pH بافر ستون یا اضافه کردن ایمیدازول به‌سهولت خارج می‌شوند. توانایی این روش بسیار بالاست و می‌تواند بیشتر از ۹۵ درصد محصول نوترکین خالص در اختیار ما بگذارد (۱۵) و (۱۶). اما با این روش نمی‌توان پروتئین نوترکیبی به‌دست آورد که عاری از اندوتوکسین باشد. از این رو روش‌های متفاوتی به‌منظور جداسازی مولکول‌های اندوتوکسین از پروتئین نوترکین به‌کار رفته است. امروزه نقش Triton-X114 به‌عنوان دترجنتی که دارای توانایی جداسازی اندوتوکسین از پروتئین‌ها است، شناخته شده است (۱۷). در این مطالعه ما روشی را معرفی کردیم که با استفاده

میزان پروتئین به‌دست آمده از پروتئین نوترکین DnaK به‌مراتب بیشتر از Omp31 بود (جدول ۱). استفاده از Triton-X114 می‌تواند به‌میزان بسیار زیادی باعث جداسازی اندوتوکسین از پروتئین‌های نوترکین شود (جدول ۱).

جدول ۱) میزان اندوتوکسین همراه دو پروتئین نوترکین تخلیص شده با دو روش استاندارد و روش دارای Triton-X114

میزان پروتئین	میزان اندوتوکسین	استفاده از Triton-X114	pH	پایه	پایه
EU mg/1	میلی‌مولار پروتئین	تخلیص		پایه	پایه
>۱۰۰۰۰	mg/۱۶	N	-	۴/۹۷	DnaK
<۰/۰۵	mg/۱۳	N	+		
>۱۰۰۰۰	mg/۱۴	D	-	۵/۰۶	Omp31
<۰/۰۵	mg/۱۳	D	+		

همچنین هیچ مقداری از Triton-X114 در محصول نهایی قابل ردیابی نبود. علاوه بر این، غلظت نهایی پروتئین نوترکین نهایی به‌دست آمده در روشی که Triton-X114 استفاده شد، ۸۰ درصد روش استاندارد بود (شکل‌های ۲ و ۳ و جدول ۱). باید به این نکته توجه داشت که تمام این روش‌ها باید در دمای ۴ درجه صورت بگیرد.



شکل ۲) بررسی مراحل تخلیص پروتئین نوترکین DnaK با استفاده از ژل ۱۲ درصد SDS-PAGE در آکریلامید در (۱) مارکر وزن مولکولی (۶۷۱ Fermentase SM) (۲) لیزات (۳) فلوئورو (flow through) (۴-۶) فراکشن‌های حاصل از شستشو با بافر حاوی ۲ میلی‌مولار ایمیدازول (۸) و (۷) فراکشن‌های حاصل از شستشو با بافر حاوی ۴۰ میلی‌مولار ایمیدازول (۹) پروتئین حاصل از شستشو با بافر ۱ میلی‌مولار ایمیدازول (۱۰) پروتئین نوترکین حاصل از استفاده از روش استاندارد (بدون استفاده از دترجنت)

اندوتوکسین را از محصول نوترکیب نهایی جدا کنند (۱۳)، اما محصول نهایی پروتئین نوترکیب آن‌ها هیچ کاهشی نسبت به روش استاندارد نداشت و این می‌تواند به دلیل خصوصیات فیزیولوژیکی آن پروتئین‌ها و اتصال کمتر با اندوتوکسین نسبت به پروتئین‌های ما باشد.

در نتیجه استفاده از Triton-X114 مراحل شستشوی تخلیص پروتئین نوترکیب می‌تواند روش مناسب و کم هزینه‌ای باشد که در وقت کم، محصول نهایی با میزان حداقل از اندوتوکسین را به ما بدهد.

سپاس و قدردانی

نویسندگان این مقاله مراتب قدردانی و سپاس خود را از معاونت پژوهشی دانشگاه علوم پزشکی تهران و پژوهشگاه ابن سینا جهاد دانشگاهی تهران به دلیل حمایت‌های مالی و اجرای این پژوهش اعلام می‌دارند.

References:

1. Smith DB, Johnson KS. Single-step purification of polypeptides expressed in *Escherichia coli* as fusions with glutathione S-transferase. *Gene* 1988; 67: 31-40.
2. Maina CV, Riggs PD, Grandea AG, 3rd, et al. An *Escherichia coli* vector to express and purify foreign proteins by fusion to and separation from maltose-binding protein. *Gene* 1988; 74: 365-73.
3. Ghasemi A, Salmanian AH, Sadeghifard N, et al. Cloning, expression and purification of Pwo polymerase from *Pyrococcus woesei*. *Iran J Microb* 2011; 3: 118-22.
4. Bito LZ. Inflammatory effects of endotoxin-like contaminants in commonly used protein preparations. *Science* 1977; 196: 83-5.
5. Morrison DC, Ulevitch RJ. The effects of bacterial endotoxins on host mediation systems. A review. *Am J Pathol* 1978; 93: 526-618.
6. Petsch D, Anspach FB. Endotoxin removal from protein solutions. *J Biotechnol* 2000; 76: 97-119.
7. Pyo SH, Lee JH, Park HB, et al. A large-scale purification of recombinant histone H1.5 from *Escherichia coli*. *Protein Expr Purif* 2001; 23: 38-44.
8. Anspach FB, Hilbeck O. Removal of endotoxins by affinity sorbents. *J Chromatogr A* 1995; 711: 81-92.
9. Petsch D, Beeskow TC, Anspach FB, et al. Membrane adsorbers for selective removal of bacterial endotoxin. *J Chromatogr Biomed Sci App* 1997; 693: 79-91.
10. Aida Y, Pabst MJ. Removal of endotoxin from protein solutions by phase separation using Triton X-114. *J Immunol Methods* 1990; 132: 191-5.
11. Franken KL, Hiemstra HS, van Meijgaarden KE, et al. Purification of his-tagged proteins by immobilized chelate affinity chromatography: the benefits from the use of organic solvent. *Protein Expr Purif* 2000; 18: 95-9.
12. Ghasemi A, Salari MS, Zarnani AH, et al. Immune reactivity of *Brucella melitensis*-vaccinated rabbit serum with recombinant Omp31 and DnaK proteins. *Iran J Microbiol* 2013; 5: 19-23.
13. Reichelt P, Schwarz C, Donzeau M. Single step protocol to purify recombinant proteins

- with low endotoxin contents. *Protein Expr Purif* 2006; 46: 483-8.
14. MacPhee DJ. Methodological considerations for improving Western blot analysis. *J Pharmacol Toxicol Methods* 2010; 61: 171-7.
 15. Hamidiyeh F, Shirazi MH, Fallah Mehrabadi J, et al. PapG Gene cloning, *Escherichia coli* uropathogen and examination of its subsequence diversity. *ISMJ* 2013; 16: 1-8.
 16. Hengen P. Purification of His-Tag fusion proteins from *Escherichia coli*. *Trends Biochem Sci* 1995; 20: 285-6.
 17. Chataing B, Concepcion JL, Lobaton R, et al. Inhibition of *Trypanosoma cruzi* growth in vitro by *Solanum* alkaloids: a comparison with ketoconazole. *Planta Med* 1998; 64: 31-6.

Original Article

Expression, Purification and endotoxin removal of *Brucella melitensis* DnaK and Omp31 proteins

A. Ghasemi¹, MH. Salari^{1*}, AH Zarnani^{2,3}, M. Jeddi-Tehrani⁴

¹ Department of Pathobiology, School of Public Health, Tehran University of Medical Sciences, Tehran, IRAN

² Nanobiotechnology Research Center, Avicenna Research Institute, ACECR, Tehran, IRAN

³ Immunology Research Center, Iran University of Medical Sciences, Tehran, IRAN

⁴ Monoclonal Antibody Research Center, Avicenna Research Institute, ACECR, Tehran, IRAN

(Received 18 Jul, 2012 Accepted 11 Aug, 2012)

Abstract

Background: New strategies are needed to protect against *Brucella melitensis* infection. Subunit vaccines offer a promising approach because they can stimulate both cellular and humoral immunity, so high production of recombinant protein with less content of endotoxin is desired. In present study, we described a method for expression and purification of *B. melitensis* recombinant DnaK(rDnaK) and Omp31(rOmp31) proteins while less content of endotoxins were detected in final product.

Material and Methods: Recombinant pET-*dnak* and pDEST-*omp31* plasmids were transformed into competent expression host *E. coli* BL21 (DE3). After induction by IPTG, bacteria were grown at 20°C for 22h. Then recombinant proteins were purified by Ni-NTA Agarose. Purification was done while two methods using Triton X-114 in washing steps and standard protocol (without detergent) were used in parallel.

Results: rDnaK and rOmp31 were purified by using Urea. We could obtain 20 and 8 mg recombinant proteins from rDnaK and rOmp31 from 1 liter medium, respectively. The amount of endotoxins in final products was less content of 0.05 EU/mg. Furthermore, recovery of protein was up to 80% as compared to the standard protocol.

Conclusion: The method used in this study, gives a product with very low extent of endotoxin, but 20% of recombinant proteins were lost. So we think the method described here can be used for purification and endotoxin removal of other recombinant proteins with similar physiologic properties.

Keywords: recombinant protein, purification, endotoxin, expression

*Address for correspondence: Department of Microbiology, School of Public Health, Tehran University of Medical Sciences, Tehran, IRAN; E-mail: mhsalari2002@gmail.com

Website: <http://bpums.ac.ir>

Journal Address: <http://ismj.bpums.ac.ir>